

中国畜牧兽医学会

牧医学发(2016)第16号

关于第八届全国畜牧兽医青年科技工作者 学术研讨会的征文通知

各省(自治区、直辖市)畜牧兽医学会、各学科分会、杂志编辑部、各团体会员单位、各有关单位、会员:

青年是未来科技创新的主体,是活跃在科研、教学、生产等各个领域的主力军,是推动我国科学技术发展的重要力量。全国畜牧兽医青年科技工作者学术研讨会自上世纪九十年代以来,已成功举办了7届,为青年科技工作者提供了交流、互动、启迪、共进的重要舞台。本次会议将邀请全国知名专家、学者、青年才俊作精彩的主题报告,为鼓励青年科技工作者投稿参会,将在此次会议上评选优秀论文,颁发我国畜牧兽医学术界的最高荣誉——“中国畜牧兽医学会奖”优秀论文奖。

本次会议以“科技引领,创新发展”为主题,开展学术交流活动。大会期间,还将举行中国畜牧兽医学会第十四届全国会员代表大会暨学会成立80周年纪念活动,届时畜牧兽医界院士、专家、学者将与青年科技工作者共聚一堂,切磋交流,互动共进。会议时间、地点另行通知。

大会征文即日开始,诚邀畜牧兽医相关学科领域的青年科技工作者积极投稿,踊跃参会,现将会议征文的有关事宜通知如下:

一、征文的具体要求:

1. 征文第一作者年龄:45岁以下(含45岁)。

2. 征文内容:

会议将围绕“科技引领,创新发展”主题,研讨和交流新进展、新理论和新技术。文章的内容要科学、务实、贴近实践。主要内容、专题如下:

T01 专题 畜牧兽医基础

T02 专题 遗传与育种

T03 专题 营养与饲料

T04 专题 饲养与环境

T05 专题 动物食品安全

T06 专题 动物疫病与临床

3. 征文范围：涉及以上内容的科研论文、专题报告、调查报告及文献综述等，欢迎和鼓励未公开发表的论文参加此次征文活动。

希望积极组织广大畜牧兽医科技工作者投稿。各省级学会、相关学科分会、分支机构，各单位至少推荐 2 篇优秀论文。

4. 论文提交要求：

(1) 请提交论文详细摘要。

(2) 详细摘要内容要求：科研论文详细摘要需包括题目、作者（多个作者由逗号隔开）、工作单位（单位名称、所在城市、邮政编码）、引言、材料与方法、结果与讨论、主要参考文献（不超过 5 篇）等内容。重在表述结果。

(3) 详细摘要排版要求：

① 论文题目用 4 号黑体，作者、单位及邮编用 5 号楷体，正文用 5 号宋体，其中正文中的标题用黑体；word 文档（电子文件格式为.doc，office2007 以上版本请转成.doc 文件再上传），使用 A4 纸，排版不超过 1 页（页面设置请用 WORD 默认，上下 2.54 厘米，左右 3.17 厘米，固定行距 18 磅），请不要使用双栏或者多栏排版（请参照附件一“详细摘要模板”）。

② 字数要求：详细摘要字数 600~900 字。原则上应无图表，请保证字数，避免由于篇幅过短而被退稿。

(4) 征文截止时间：2016 年 8 月 31 日。

5. 提交方式：

请进入学会网站后点击“第八届全国畜牧兽医青年科技工作者学术研讨会”或直接进入会议网站<http://caav2016.caav.org.cn/caav2016/>，注册后提交论文摘要电子版（WORD2003 及以下版本，电子版不能超过 1MB），具体步骤请参看网站上的“第八届全国畜牧兽医青年科技工作者学术研讨会会议网站使用说明”。

如果是分会、省学会推荐的论文，还要请分会和省学会给学会来函说明。

6. 论文接受及评选：

征文截止后，会议组委会组织专家审稿，审稿结果有以下三种：

(1) 口头报告：即论文摘要将刊登在论文集上并推荐作分会场报告，并入围中国畜牧兽医学学会奖（优秀论文奖）的评选。为了鼓励论文作者参会并作报告交流，本次会议的中国畜牧兽医学学会奖在分会

场报告时现场评选所作报告，并在中国畜牧兽医学会成立 80 周年庆典上颁奖。

(2) **壁报**：即论文摘要将刊登在会议论文集上，并在会议会场做壁报展示。会议安排特定时间段进行壁报交流，要求壁报作者必须在展示板前与参会者交流，会议学术委员会将首次成立壁报评审小组，根据壁报制作情况、壁报作者现场交流情况进行评审，评出“优秀壁报奖”予以奖励。

(3) **不录用**：即退稿。

审稿结果会以 E-mail 通知，并在论文提交系统中进行反馈。请作者在论文截止后关注会议网站和注册邮箱。

一旦会议详细日程确定之后，将在会议网站上予以公布。

7. 征文的其他注意事项：

(1) 为了提倡绿色环保，会议将制作电子版论文集，参会者可以在会议网站下载。印刷少量纸质论文集，与会者如果需要可在会议网站“会议预订”中预订购买（请注明数量）。会后电子论文集还将进入中国知网 CNKI 数字图书馆中国重要会议论文数据库（不希望进入数据库者请在论文提交时“是否同意论文进入 CNKI 数据库”选“否”）。进入数据库的论文摘要每篇赠送 2 张 CNKI 检索卡（50 元/张）作为上网稿酬。

(2) 为鼓励作者参会，会上还将向参会的论文作者颁发中国畜牧兽医学会论文交流证书。

二、联系方式：

联系人：石娟 申凌 电话：010-85959010 85959006

传真：010-85959010 E-mail：caav2011@163.com

学会网站：www.caav.org.cn

会议网站：<http://caav2016.caav.org.cn/caav2016>

三、其他参会信息请见学会网站www.caav.org.cn或下一轮通知。

附件：详细摘要模板



附件：详细摘要模板

一株高致病性猪繁殖与呼吸综合征病毒变异毒株的基因组特征

杨小蓉, 荫硕焱, 潘梦, 周磊, 盖新娜, 陈艳红, 郭鑫, 杨汉春

(中国农业大学动物医学院, 北京 100193)

引言

由猪繁殖与呼吸综合征病毒 (PRRSV) 引起的猪繁殖与呼吸综合征已成为危害全球养猪生产的重要经济性疫病之一。我国的高致病性PRRSV^[1-2]已成为近年来引发我国PRRS疫情的优势流行毒株^[3], 但是否存在变异值得关注。本研究对从发生猪繁殖与呼吸综合征的猪场分离到的一株PRRSV进行了全基因组序列测定和基因组特征分析, 旨在为高致病性PRRSV的变异监测和分子流行病学分析提供必要的科学依据。

材料与方法

用于分析的毒株—PRRSV SD0901于2009年分离自山东地区发生PRRS猪场的病猪血清样本。采用文献^[4]报道的引物序列, 分段进行毒株基因组的RT-PCR扩增, 克隆至载体 *pEASY-Blunt Cloning Vector*, 进行序列测定。应用DNASar、ClustalX、GeneDoc等生物学软件进行全基因组序列拼接、比对与分析。

结果与讨论

序列测定与分析表明, 不包括Poly (A), SD0901的基因组全长为15 320 nt, 与高致病性PRRSV分离毒株的全基因组核苷酸同源率为98.6%-98.7%; 基因组的Nsp2编码区除存在与高致病性毒株相同的30个氨基酸的不连续缺失外, 还存在468位的异亮氨酸缺失, 且在585-586位氨基酸之间插入1个脯氨酸; 该毒株的结构蛋白GP2、GP3、GP4和M编码区分别存在1个氨基酸的突变, 即GP2的240位丝氨酸 (S) 突变为苯丙氨酸 (F), GP3的66位异亮氨酸 (I) 突变为苏氨酸 (T), GP3的151位、GP4的43位和M蛋白的7位天冬氨酸 (D) 突变为天冬酰胺 (N)。该毒株在全基因组核苷酸水平上与已报道的高致病性毒株高度同源, 除了Nsp2编码区存在与高致病性毒株相同的缺失而外, 还有另外的缺失和插入, 而且结构蛋白还存在突变位点。尽管这些变异的生物学意义有待深入研究, 但我们可以认为SD0901是一株高致病性毒株的变异毒株, 提示高致病性PRRSV毒株的进一步变异无疑将增加毒株的多样性。

主要参考文献

- [1] Tian K.G, Yu X, Zhao T, et al., Emergence of fatal PRRSV variants: unparalleled outbreaks of atypical PRRS in China and molecular dissection of the unique hallmark. *PLoS One*. 2007, 2: e526.
- [2] Zhou Y.J, Hao X.F, Tian Z.J, et al., Highly virulent porcine reproductive and respiratory syndrome virus emerged in China. *Trans. Emerg. Dis.* 2008, 55, 152-164.
- [3] Zhou L, Chen S.X, Zhang J.N, et al., Molecular variation analysis of porcine reproductive and respiratory syndrome virus in China. *Virus Res.* 2009, 145, 97-105.
- [4] Zhou L, Zhang J.N, Zeng J.W, et al., The 30-amino-acid deletion in the Nsp2 of highly pathogenic porcine reproductive and respiratory syndrome virus emerging in China is not related to its virulence. *J. Virol.* 2009, 83: 5156-5167.